

# R在新药研发中的应用

李舰，杨环



第七届中国R语言会议

北京，中国人民大学

2014年05月25日

# 目 录

## ① 新药研发简介

- 背景
- 方法简介
- 应用

## ② 新药研发中的建模和模拟

# 目 录

## ① 新药研发简介

- 背景
- 方法简介
- 应用

## ② 新药研发中的建模和模拟

# 制药界的常识

## ● 什么是药？

- 通常说的西药，目前更精确的说法是化合物的药物
- 药是科学作用到人体的经典案例，不一定治“病”
- 药是科学在应用中的最佳体现

## ● 药的市场

- 平均开发周期10年
- 平均研发成本百亿人民币
- 从实验室算起新药研发的成功率不高于千分之五
- 从大量人体试验的临床II阶段算起成功率也不到百分之三十
- 从巨量成本的临床III阶段算起的成功率也不到百分之四十

## ● 新药研发的工具

- 临床试验常用SAS
- 建模模拟常用R

# 新药研发的分析需求

## ● 需求

- 如何尽早地对化合物进行鉴别?
- 如何预测试验的成功率?
- 该试验是否应该继续进行?
- 药物是否应该朝着特效药的方向发展?

## ● 数据

- 早期临床试验数据;
- 出版物中的参数。

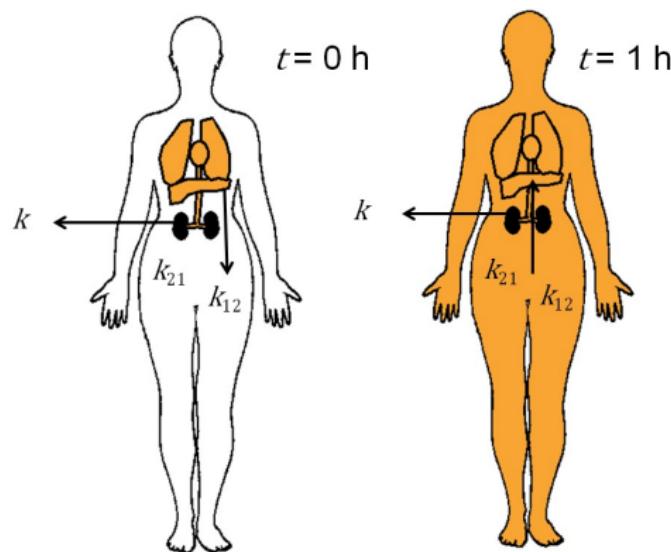
# 目 录

## ① 新药研发简介

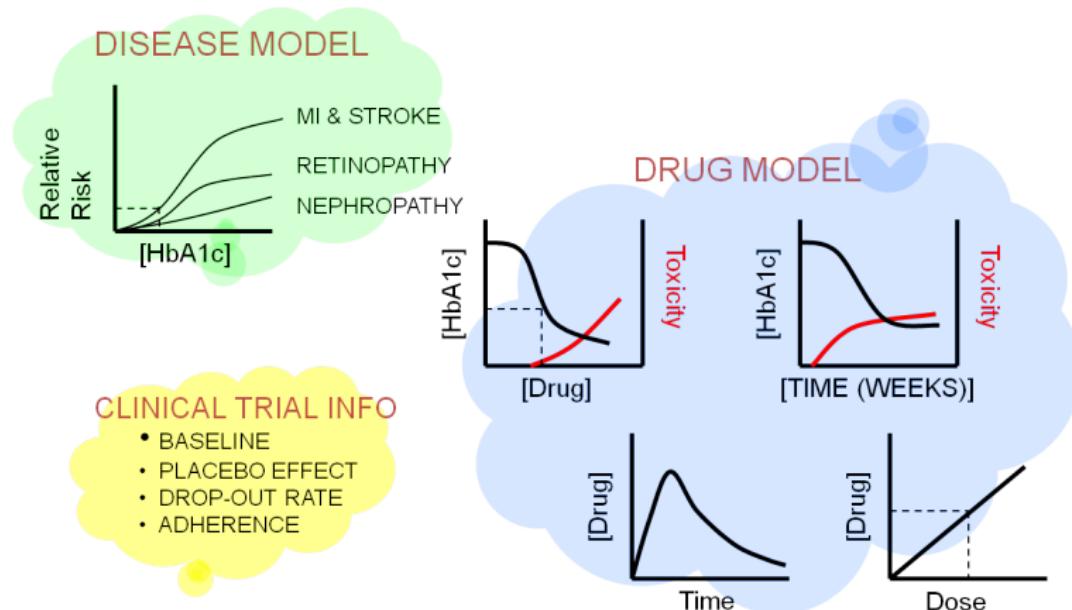
- 背景
- 方法简介
- 应用

## ② 新药研发中的建模和模拟

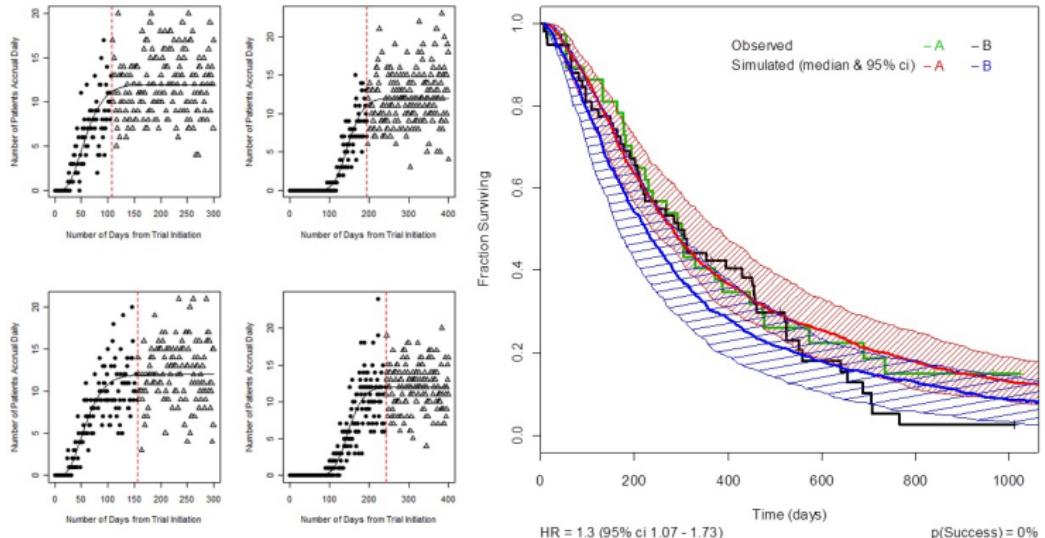
# 药动学模型



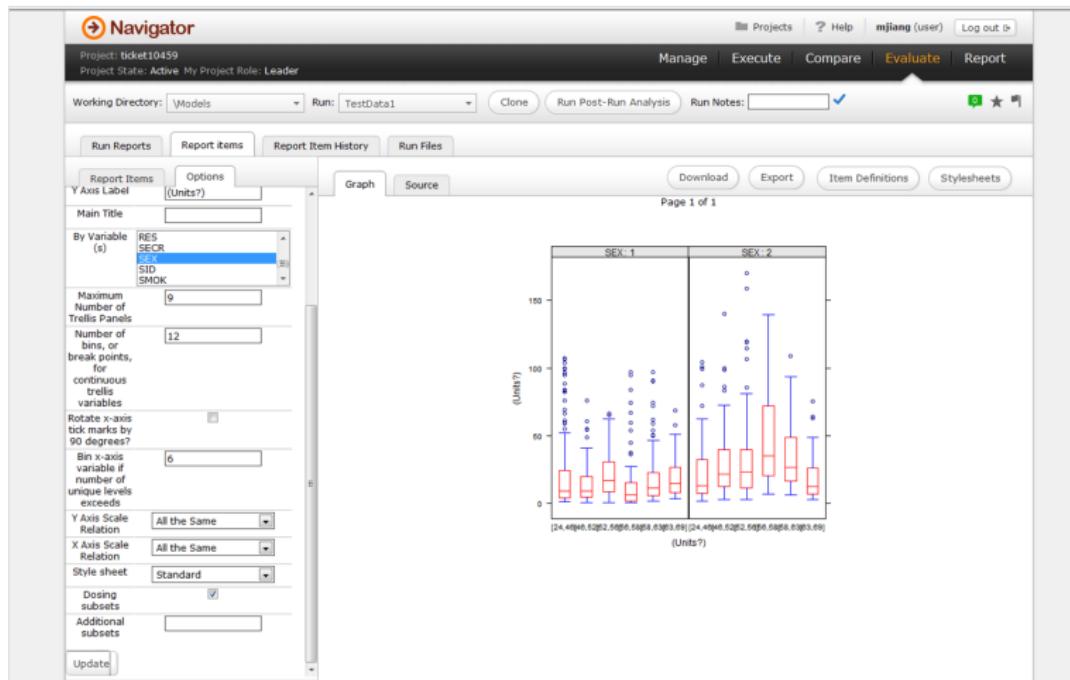
# 药效和疾病模型



# 统计模型和模拟



# 分析系统



# 可重复研究

**Navigator**

Project: ticket10459  
Project State: Active My Project Role: Leader

Upload Template Working Directory: \Models Run: TestData1 Use this run for all tags Manage Execute Compare Evaluate Report

Exclude	Document Tag Name	Run Name	Report Item Definition	Caption
<input type="checkbox"/>	navigator.tagM2	TestData1_missingtab	Omega Block Table	Edit Arguments Select existing item
<input type="checkbox"/>	navigator.tagM4	TestData1_missingtab	DV vs PRED	Edit Arguments Select existing item

Report Name: test2 Generate Download

**test2[1].docx [Compatibility Mode] - Microsoft Word**

File Home Insert Page Layout References Mailings Review View Add-Ins

Observation (Units) vs Population Prediction (Units?)

DV vs PRED v0  
Run name: TestData1; Source: C:\sandboxes\andbox8\reports\items\graphs\DV\_vs\_PRED\DV\_vs\_PRED\_408.R DV vs PRED v0; C:\sandboxes\andbox8\reports\items\graphs\DV\_vs\_PRED\DV\_vs\_PRED\_408\_page0.png

modreport.tagM2[Omega Block Table@M2|estimatedOnly=TRUE|precision=2]

Comment [mjjiang]: Original File Created on: 2013-01-17T15:15:50+0800 Run ID: C:\sandboxes\andbox8\reports\items\graphs\DV\_vs\_PRED Report Item Definition: DV vs PRED Report Item ID: 408 Software Used: R Model Type: Predictor  
- X Axis Label:Population Prediction (Units)  
- Y Axis Label:Observation (Units)  
- Title:Observation vs Prediction  
- By Variable(s):NONE  
- X Axis Scale:linear  
- Add line of identity:TRUE  
- Match X and Y Axis Labels: TRUE  
- Log x axis:FALSE  
- Log y axis:FALSE  
- Number of bins, or break points, for continuous trellis variable:12  
- Add Grid Lines:FALSE  
- Log x axis:FALSE  
- Log y axis:FALSE  
- Add reference line:TRUE  
- Add reference line style:TRUE  
- Plotting Method:Free  
- Additional Parameters:

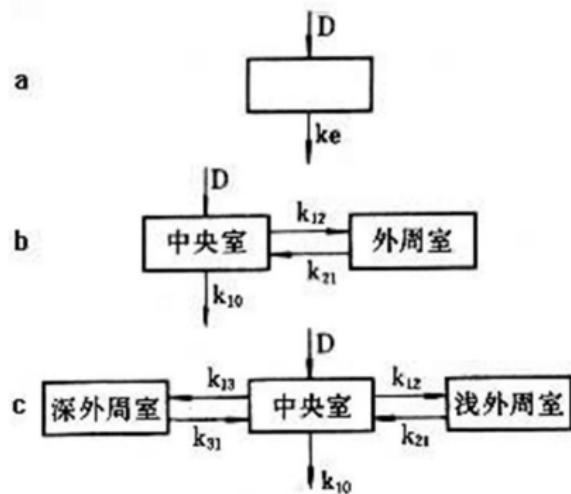
# 目 录

## ① 新药研发简介

- 背景
- 方法简介
- 应用

## ② 新药研发中的建模和模拟

# 中西医与科学



# 医疗食品与统计

## ● 科学与统计

- 牛顿的骰子与现代科学
- 随机的世界与不确定的世界
- 统计和科学

## ● 科学的医疗食品观

- 相信科学反对非科学是共识
- 药物和食品安全的科学性主要体现在严格的试验和检验，而不是原理的科学
- 科学教比伪科学更坏，伪科学比非科学更坏
- 科学不应该以经济利益为导向

# 目 录

## ① 新药研发简介

## ② 新药研发中的建模和模拟

# MSToolkit与模拟

```
library("MSToolkit")
simulateData(modelEqn = model1, replicateN = 10000,
subjects = 500, treatSubj = c(100, 100,
    100, 100, 100),
treatDoses = c(500, 1000, 2000, 3000, 5000),
treatPeriod = c(0:112) * 24,
genParNames = names(pars$thetaMean),
genParMean = pars$thetaMean, genParVCov = pars$thetaVCov,
genParCrit = paste(names(pars$thetaMean), ">= 0"),
genParBtwNames = pars$omega2theta, genParBtwMean = 0,
genParBtwVCov = pars$omega2Mean,
conCovNames = names(pars$conCovMean),
conCovMean = pars$conCovMean,
conCovVCov = pars$conCovVCov,
conCovCrit = paste(names(pars$conCovMean), "> 0"),
disCovNames = pars$disCovNames,
disCovVals = pars$disCovVals,
disCovProb = pars$disCovProb,
respVCov = 0, workingPath = ctsdir)
```

# 模型

- 群体药动药效学
  - 非线性混合效应模型NONMEM
- 生存分析
  - survival 包
  - 生存回归survreg
- 其他模型
  - 肿瘤大小的模型
  - 疼痛强度的模型
  - 糖尿病指标的模型
  - ... ...

# Thank you!

Homepage: <http://www.mango-solutions.com/>